

8. Références

- Benson D.A, Clark K., Karsch-Mizrachi I., Lipman D.J., Ostell J., Sayers E.W. (2014) "GenBank." *Nucleic Acids Research* 42 (1). National Center for Biotechnology Information, National Library of Medicine, National Institutes of Health, Bethesda, MD 20894, USA.: D32-7. doi:10.1093/nar/gkt1030 gkt1030 [pii].
- Boubendir A. (2019) Cours de Bioinformatique Centre Universitaire de Mila, Algérie.
- Boubendir A., Mostakim M. (2019) Structure variability and phylogeny of *Klebsiella pneumoniae* OXA-48 Class D carbapenemases. *Acta Microbiologica Hellenica*. 64 (4): 27-36.
- Corpet F., Chevalet C. (2000) Génétique moléculaire : principes et application aux populations animales. INRA Prod. Anim. Numéro hors série : 191-195.
- Coutouly G., Klein E., Barbieri E., Kriat M. (2006) Travaux dirigés de biochimie biologie moléculaire et bioinformatique. 3^{ème} édition doin. 342p.
- Darlu P., Tassy P., (2004). La reconstruction phylogénétique. Concepts et méthodes. Masson. Paris. ISBN : 2-225- 84229-9. 241 p.
- Djekoun A., Hamidechi M.A. (2006) Cours de phylogénie moléculaire Distances et constructions phylogénétiques. Université Constantine 1.
- Dutilh B.E., Keşmir C. (2017) Course: Theoretical Biology and Bioinformatics. <http://tbb.bio.uu.nl/BDA>. Utrecht University. 145p.
- Gallezot G., Samson F., Brunaud V., Gas S., Bessières P. (2000) Normes et standards dans le processus de traitement du document numérique en biologie moléculaire. *Revue SOLARIS*. ISSN : 1265-4876. 33p.
- Hochreiter S. (2013) Bioinformatics I, Sequence Analysis and Phylogenetics. Institute of Bioinformatics Johannes Kepler University Linz, Austria. 166p.
- Imbs D., Hassan M.S. (2000) Bioinformatique Travail d'étude. Université de Nice Sophia Antipolis. 23p.
- Laurent N. (2012). Bioinformatique et données biologiques. www.lifl.fr/~noe/enseignement/m1-genpro/.../bioinfo_bio1-2x3.pdf.
- Lecoitre G., Le Guya der H. (2001). Classification phylogénétique du vivant. Ed. Belin. Paris.ISBN : 2-7011-4273-3. 537 p.
- Luchetta P., Maurel M. C., Higuët D. et al. (2005). Evolution moléculaire. Ed. Dunod. Paris. ISBN : 2 10 006880 6. 330 p.
- Nei M., Kumar S. (2000) Molecular Evolution and Phylogenetics. Oxford University Press, New York.

- Niranjan R. B.P. (2011) Basics for the Construction of Phylogenetic Trees. WebmedCentral BIOLOGY; 2(12):WMC002563.
- Paul G.H., Teresa K.A. (2005) Bioinformatics and molecular evolution. Blackwell Science Ltd, Blackwell Publishing company.
- Pavel A. Pevzner (2006) Bioinformatique moléculaire Une approche algorithmique Springer-Verlag France, Paris, 2006. 314p.
- Saitou N., Nei M. (1987). The Neighbor-joining Method: a new method for reconstructing phylogenetic trees. Mol. Biol. Evol. 4 (4): 406-425.
- Tamura K., Stecher G., Peterson D., Filipski A., Kumar S. (2013) MEGA6: Molecular Evolutionary Genetics Analysis version 6.0. Molecular Biology and Evolution: 30 2725-2729.